**Activité : CLASSIFICATION**

**Les microorganismes de l’industrie fromagère**

**Section 1 : classification dichotomique**

Les scientifiques se servent de moyen divers pour classer les microorganismes. La clé dichotomique est un de ces outils. Pour créer une clé dichotomique, on doit d’abord observer et déterminer les caractéristiques des organismes. On commence souvent la classification par les caractéristiques globales de ceux-ci.

Observe la clé dichotomique ci-dessous

L’organisme est-il rond ?

L’organisme est-il vert ?

Oui

Non

Oui

Non

L’organisme est-il … ?

L’organisme est-il … ?

L’organisme est-il … ?

Oui

Non

Une clé dichotomique commence par une **question spécifique** basée sur les caractéristiques des échantillons à classer et elle doit se répondre par oui et non

Ton travail est de créer une clé dichotomique afin de permettre la classification des microorganismes illustrés dans le document : **images biodiversité des fromages**. Tous ces microorganismes sont utilisés dans l’industrie fromagère.

Lorsque tu as terminé ta clé d’identification, fais-la évaluer par un pair. Peut-il suivre ton raisonnement ? Arrive-t-il à la même classification que la tienne ? Modifie ta clé afin d’éclaircir les étapes qui ont causé des problèmes ?

**Section 2 : Classification phylogénique**

Choisir un microorganisme utilisé en industrie fromagère ou agroalimentaire

1. Préparer une fiche d’identification de ton organisme qui inclue :
   * Le nom, sous forme binomiale (genre, espèce) ;
   * Sa structure anatomique avec description
   * L’utilité, l’importance, la fonction de ce microorganisme
2. Créer sa fiche d’identité en respectant les critères de la classification phylogénique en présentant les caractéristiques spécifiques de chacun des taxons.

* Taxon (règne, embranchement, classe, ordre, famille, genre, espèce)

**Note**: Selon l’organisme choisi et le modèle de classification, il se peut que certains taxons ne soient pas spécifiés pour ton organisme ou que l’on ajoute certaines sous-sections. Utilise seulement les taxons appropriés.